

イルミナライブラリー調製ソリューション

イルミナライブラリー 調製ソリューション

発見と洞察を導く、
確かな基盤

illumina®

本製品の使用目的は研究に限定されます。診断での使用はできません。

M-GL-00033 v3.0-JPN



イルミネーションシステム用に
最適化されたライブラリー調製

イルミナの次世代シーケンス (NGS) ライブラリー調製ポートフォリオは、技術革新でDNAシーケンスとRNAシーケンス両方の品質、精度、使いやすさを提供します。エンドツーエンドのNGSワークフローの基盤として、これらのキットは、イルミナ装置およびデータ二次解析ツールで使用するために最適化されています。

イルミナのライブラリー調製プロトコールは、小規模ラボ向けのロースループットプロトコールから大規模ラボやゲノムセンター向けの完全自動化ワークフローまで、幅広いスループットのニーズに対応します。細胞培養から新鮮組織、ホルマリン固定パラフィン包埋 (FFPE) サンプル、血液、その他の困難なサンプルタイプまで、幅広いサンプルタイプに利用できます。

このパンフレットには、ライブラリー調製オプションの代表的なもののみを記載しています。その他を含め、すべてのライブラリー調製ソリューションについては、jp.illumina.comをご参照ください。



シンプル

オンピースタグメンテーションにより、手動ステップを削減し、ワークフローを簡素化



拡張性

自動化への対応により、ハイスループット研究をサポート



迅速

効率的なワークフローがわずか1.5時間*で完了。最小のハンズオンタイム

* Illumina DNA PCR-Free Prepの場合





DNAシーケンス用の柔軟な ライブラリー調製ソリューション

汎用性の高いイルミナのDNAライブラリー調製ポートフォリオでは、小さなターゲット領域またはゲノム全体を解析することができます。

オンビーズタグメンテーションケミストリーにより、最適なシーケンス結果に必要な、一貫したインサートサイズと高いカバレッジ均一性を実現できます。自動化サンプル処理および手作業に対応したプロトコールが利用できます。

簡単な容量ベースでのライブラリープールに対応した簡潔なワークフローで、ライブラリー定量ステップを最小限に抑えます。

[詳細はこちら→](#)



DNAライブラリー調製

Illumina DNA PCR-Free Prep

Illumina DNA PCR-Free Prepは、ヒト全ゲノムシーケンスなどの高感度アプリケーション向けに、オンビーズタグメンテーションとPCRフリーのワークフローを組み合わせています。

PCRに起因するバイアスを排除し、ヒト全ゲノムシーケンスなど、妥協のない精度を必要とするアプリケーションに対して高い性能を示すデータを提供

抽出したゲノムDNAから90分、または血液、唾液、乾燥血液スポットなどの生サンプルから2.5時間でライブラリーを生成

幅広いDNAインプット（25～300 ng）に対応、自動化に適合

Illumina DNA Prep

Illumina DNA Prepは、DNA抽出、断片化、ライブラリー調製、ライブラリーノーマライゼーションステップを統合した独自のケミストリーで、非常に迅速かつ柔軟なワークフローを実現します。

血液、唾液、乾燥血液スポット用の統合されたDNA抽出プロトコールによりライブラリー調製効率を向上

柔軟なワークフローで、少量インプットサンプルを含む幅広いDNAインプット量（1～500 ng）に対応

全ゲノム、アンプリコン、プラスミド、微生物ゲノムのシーケンスに高いパフォーマンスを提供

[詳細はこちら](#) →

全ゲノムシーケンス用のIllumina DNA ライブラリー調製ソリューションの概要

仕様	Illumina DNA PCR-Free Prep	Illumina DNA Prep
アプリケーション	ヒト全ゲノムシーケンス	大小ゲノム向けの全ゲノムシーケンス
手法	ビーズ結合トランスポソーム	ビーズ結合トランスポソーム
特殊なサンプルタイプ	血液、乾燥血液スポット、唾液	血液、乾燥血液スポット、唾液、細菌コロニー、少量インプットサンプル
DNAインプット量	25~300 ng	1~500 ng
ハンズオンタイム	~45分	1~1.5時間
アッセイ時間	~1.5時間	約3~4時間
PCRプロトコール	なし	あり
ライブラリー定量の必要性	なし	なし
断片化を含む	含む、オンビーズ	含む、オンビーズ
FFPEサンプル対応	なし	実証されておらず
自動化対応	あり	あり
推奨されるインデックス	Illumina DNA/RNA Unique Dual Indexes Tagmentation	Illumina DNA/RNA Unique Dual Indexes Tagmentation
推奨されるシーケンスシステム	NextSeq™ 550システム、NextSeq 1000システム、NextSeq 2000システム、NovaSeq™ 6000システム、NovaSeq Xシリーズ	iSeq™ 100システム、MiniSeq™システム、MiSeq™ シリーズ、NextSeq™ 550システム、NextSeq 1000システム、NextSeq 2000システム、NovaSeq™ 6000システム、NovaSeq Xシリーズ
推奨される解析ソフトウェア	DRAGEN™ Germline, DRAGEN Somatic, Illumina Connected Insights, Emedgene™ソフトウェア	DRAGEN Germline, DRAGEN Somatic, DRAGEN Metagenomicsパイプライン, CosmosID, SPAdes Genome Assembler
消耗品および機器	Illumina DNA PCR-Free Prepの消耗品および機器	Illumina DNA Prepの消耗品および機器

DNAの濃縮および ライブラリーの調製

|| Illumina DNA Prep with Enrichment

Illumina DNA Prep with Enrichmentは、ターゲット濃縮およびエクソームシーケンスアプリケーション用の、迅速なライブラリー調製と濃縮機能を組み合わせた汎用性の高いキットです。本ソリューションは、インプットの種類と量に対する優れた柔軟性があり、幅広い濃縮シーケンスアプリケーションに対応します。

- 幅広いDNAインプット量 (10~1,000 ng) と、血液、唾液、FFPE DNAを含む複数のサンプルタイプに対応
- 1回の90分間のハイブリダイゼーションステップを使用して、ターゲットリシーケンスのための迅速な濃縮ワークフローを提供
- がんおよび遺伝性疾患の研究における全エクソームシーケンスと最新の研究デザインを可能に
- 事前に設計およびカスタマイズされた濃縮パネルにも対応。Illumina Custom Enrichment Panel v2は、[DesignStudioの無料オンラインツール](#)またはコンシェルジュデザインサービスチームにより簡単に設計可能

[詳細はこちら →](#)

|| Illumina DNA Prep with Exome 2.5 Enrichment

Illumina DNA Prep with Exome 2.5 Enrichmentは、非常に優れた性能とデータ品質のヒト全エクソームシーケンス結果をコスト効率良く提供します。使いやすいライブラリー調製と濃縮ソリューションは、サンプル調製からレポート作成までのエンドツーエンドワークフローを構成します。

- ライブラリー調製試薬とハイブリダイゼーション試薬、Exome 2.5プローブパネル、ビーズ、インデックスを含む高性能のオールインワン全エクソームシーケンスキット
- 迅速でシンプルなプロトコールと組み込みのライブラリーノーマライゼーションにより、6.5時間の全エクソームシーケンスワークフローが実現
- 高いオンターゲット率と均一なカバレッジでエクソンとバリエーションを包括的にカバーし、マルチプレックス能力の向上、スループットの増加、コストの削減を実現
- 濃縮パネルを補足することで、エクソームのコンテンツの追加や強化が可能。Illumina Custom Enrichment Panel v2スパイクインは、[DesignStudioの無料オンラインツール](#)またはコンシェルジュデザインサービスチームで簡単に設計

[詳細はこちら →](#)

Illustrina FFPE DNA Prep with Exome 2.5 Enrichment

Illustrina FFPE DNA Prep with Exome 2.5 Enrichmentは、tumor-normalワークフローを用いて高感度かつ包括的な全エクソームシーケンスを実施し、FFPEサンプルから低頻度バリエーションを検出することが可能です。

- エラー補正と偽陽性低減のための分子バーコード (UMI) を採用し、低頻度変異の正確な検出を実現
- わずか4時間のハンズオンタイム、約10時間の所要時間でシーケンス用ライブラリーを調製できる、迅速なハイブリッドキャプチャーワークフロー
- 高いオンターゲット率と均一なカバレッジでエクソンとバリエーションを包括的にカバー
- 濃縮パネルを補足することで、エクソームのコンテンツの追加や強化が可能。Illustrina Custom Enrichment Panel v2スパイクインは、DesignStudioの無料オンラインツールまたはコンシェルジュデザインサービスチームで簡単に設計

[詳細はこちら →](#)

Illustrina Cell-Free DNA Prep with Enrichment

Illustrina Cell-Free DNA Prep with Enrichmentは、血漿、血液およびリキッドバイオプシーサンプルから抽出された少量cfDNAでの使用に最適化された、多用途のライブラリー調製ソリューションです。

- エラー補正と偽陽性低減のためのUMIを採用し、低頻度変異の正確な検出を実現
- わずか2.5～3時間のハンズオンタイムで、シーケンス用ライブラリーを8.5～9.5時間で調製できる、迅速かつ柔軟でスケーラブルなワークフロー
- ユーザー設計およびカスタマイズされた濃縮パネルにも対応。Illustrina Custom Enrichment Panel v2は、DesignStudioの無料オンラインツールまたはコンシェルジュデザインサービスチームにより簡単に設計可能

[詳細はこちら →](#)

Illumina DNA濃縮および

ライブラリー調製ソリューションの概要

仕様	Illumina DNA Prep with Enrichment	Illumina DNA Prep with Exome 2.5 Enrichment	Illumina FFPE DNA Prep with Exome 2.5 Enrichment	Illumina Cell-Free DNA Prep with Enrichment
アプリケーション	全エクソームシーケンスおよびターゲットリシーケンス	小さなゲノム、PCRアンプリコン、プラスミド	FFPE DNAサンプルからのターゲットシーケンシング	cfDNAサンプルからのターゲットシーケンス
手法	ビーズ結合トランスポソームとハイブリッドキャプチャーケミストリー	ビーズ結合トランスポソームとハイブリッドキャプチャーケミストリー	ハイブリッドキャプチャーケミストリー	ハイブリッドキャプチャーケミストリー
特殊なサンプルタイプ	血液、唾液、FFPE DNA	血液、唾液	FFPEおよび少量インプットサンプル	血漿からのcfDNAまたは全血
DNAインプット量	10~1,000 ng (複雑なゲノムまたはFFPE DNAの場合は最低50 ng)	50~1,000 ng	40 ng FFPE DNAインプット	10~30 ng (20 ngを推奨)
ハンズオンタイム	~2時間	~2時間	~4時間	約2.5~3時間
アクセシビリティ	~6.5時間	~6.5時間	~10時間	約10~12時間
PCRプロトコール	あり	あり	あり	あり
ライブラリー定量の必要性	なし	なし	あり	なし
断片化を含む	含む、オンビーズ	含む、オンビーズ	含まれていない、必要	不要
FFPEサンプル対応	あり	なし	あり	あり
自動化対応	あり	あり	あり	あり
対応パネル	Twist Bioscience for Illumina Exome 2.5 Panel、Illumina Exome Panel、TruSight Hereditary Cancer、TruSight One、TruSight One Expanded Illumina Custom Enrichment Panel、Illumina Custom Enrichment Panel v2	Twist Bioscience for Illumina Exome 2.5 Panel、Twist Bioscience for Illumina Mitochondrial Panel、Illumina Custom Enrichment Panel v2	Twist Bioscience for Illumina Exome 2.5 Panel、Twist Bioscience for Illumina Mitochondrial Panel	Twist Bioscience for Illumina Exome 2.5 Panel、Illumina Custom Enrichment Panel v2、Illumina Custom Enrichment Panel、ユーザー定義パネル
推奨されるインデックス	Illumina DNA/RNA Unique Dual Indexes、Tagmentation	Illumina DNA/RNA Unique Dual Indexes、Tagmentation	Illumina UMI DNA/RNA Unique Dual v3 Indexes、Ligation	Illumina UMI DNA/RNA Unique Dual v3 Indexes、Ligation
推奨されるシーケンスシステム	MiniSeqシステム、MiSeqシリーズ、NextSeq 550システム、NextSeq 1000システム、NextSeq 2000システム、NovaSeq 6000システム、NovaSeq Xシリーズ	NextSeq 550システム、NextSeq 1000システム、NextSeq 2000システム、NovaSeq 6000システム、NovaSeq Xシリーズ	NextSeq 1000システム、NextSeq 2000システム、NovaSeq 6000システム、NovaSeq Xシリーズ	NextSeq 550システム、NextSeq 1000システム、NextSeq 2000システム、NovaSeq 6000システム、NovaSeq Xシリーズ
推奨される解析ソフトウェア	DRAGEN Enrichment、DRAGEN Somatic、Illumina Connected Insights、Emedgeneソフトウェア	DRAGEN Enrichment、DRAGEN Somatic、Illumina Connected Insights、Emedgeneソフトウェア	DRAGEN Somatic、Illumina Connected Insights	DRAGEN for ILMN cfDNA Prep with Enrichment、Illumina Connected Insights
消耗品および機器	Illumina DNA Prep with Enrichmentの消耗品および機器	Illumina DNA Prep with Exome 2.5 Enrichmentの消耗品および機器	Illumina FFPE DNA Prep with Exome 2.5 Enrichmentの消耗品および機器	Illumina Cell-Free DNA Prep with Enrichmentの消耗品および機器

5-base DNA ライブラリー調製

|| Illumina 5-Base DNA Prep

Illumina 5-Base DNA Prepは、5塩基ゲノム（A、T、G、Cおよび5mC）を包括的に探索できるため、全ゲノムとメチロームの2つの洞察を提供します。

DNA配列の複雑性を保持する新規ケミストリーを採用し、効率的なアライメントおよびバリエーションとメチル化の高感度な検出を実現

ゲノム全体のDNAバリエーションとメチル化を1回のシーケンスランで検出することでさらなる洞察を提供

わずか1 ngのセルフリーDNA (cfDNA) または50 ngのゲノムDNA (gDNA) から1日未満でシーケンス用ライブラリーを生成

[詳細はこちら →](#)

|| Illumina 5-Base DNA Prep with Enrichment

Illumina 5-Base DNA Prep with Enrichmentは、1回のサンプル調製とシーケンスランから、ターゲットゲノムおよびメチロームの洞察を得ることが可能な、高感度かつ柔軟な手法を提供します。

統合されたUMIを用いたエラー補正と偽陽性の低減により、少量インプットサンプルから希少なバリエーションを検出

最小限のタッチポイントで、11時間未満でシーケンス用ライブラリーを調製

ターゲットシーケンス用のカスタムハイブリキャプチャーローブパネルを使用

[詳細はこちら →](#)

ILLUMINA 5-BASE DNA ライブラリー調製 ソリューションの概要

仕様	ILLUMINA 5-Base DNA Prep	ILLUMINA 5-Base DNA Prep with Enrichment
アプリケーション	5-base全ゲノムシーケンス	5-baseターゲットシーケンス
手法	5mCからTへの酵素変換 ライゲーションベースのアダプターとインデックスの付加	5mCからTへの酵素変換 ライゲーションベースのアダプターとインデックスの付加
特殊なサンプルタイプ	cfDNA、gDNA	cfDNA、gDNA
DNAインプット量	1~20 ng cfDNA、50~100 ng gDNA	1~20 ng cfDNA、50~100 ng gDNA
ハンズオンタイム	~2.5時間	コンテンツに依存
アッセイ時間	約6~7.5時間	約10~12時間
PCRプロトコール	あり	あり
ライブラリー定量の必要性	あり	あり
断片化を含む	機械的断片化不要	機械的断片化不要
FFPEサンプル対応	実証されておらず	実証されておらず
自動化対応	近日対応予定	近日対応予定
対応パネル	N/A	ILLUMINA Custom Enrichment Panel v2
推奨されるインデックス	ILLUMINA Unique Dual Indexes	ILLUMINA Unique Dual Indexes
推奨されるシーケンスシステム	NovaSeq 6000システム、NovaSeq Xシリーズ	NextSeq 1000システム、NextSeq 2000システム、 NovaSeq 6000システム、NovaSeq Xシリーズ
推奨される解析ソフトウェア	DRAGEN Germline、DRAGEN Somatic、 ILLUMINA Connected Multiomics	DRAGEN Enrichment
消耗品および機器	ILLUMINA 5-Base DNA Prepの消耗品および機器	ILLUMINA 5-Base DNA Prep with Enrichmentの消耗品および機器



RNAシーケンス用 高性能ライブラリー調製

RNAシーケンス (RNA-Seq) ライブラリー調製の進歩により、トランスクリプトームの研究に革新が起きています。Illumina RNAライブラリー調製ポートフォリオは、さまざまなアプリケーションやサンプルタイプに対応し、効率的かつ包括的なトランスクリプトームカバレッジを提供します。

Illumina RNAライブラリー調製は、迅速で自動化に適したワークフローオプションと、高い柔軟性、拡張性、パフォーマンスを組み合わせ、シーケンス対応ライブラリーを1日で調製します。

このパンフレットに記載されているRNAライブラリー調製製品はポートフォリオの代表的なものです。その他のすべての製品については、jp.illumina.comをご参照ください。



RNAライブラリー調製

Illumina RNA Prep with Enrichment

Illumina RNA Prep with Enrichmentは、ターゲットRNA-Seq実験のための正確かつ効率的なライブラリー調製を提供します。このキットはサンプルインプットの種類と量に対して柔軟性が高く、アリル特異的発現、遺伝子融合検出、バイオマーカースクリーニング、エクソームシーケンスなどを含む幅広いアプリケーションに適しています。

- RNAエクソームやRNAウイルス検出など、関心のある標的転写産物を濃縮
- 少量サンプルまたはFFPEサンプルの場合でも、優れたキャプチャー効率とカバレッジの均一性を提供
- シンプルなタグメンテーションベースのライブラリー調製、2時間未満のハンズオンタイムでRNA濃縮ワークフローを実施

[詳細はこちら →](#)

Illumina Stranded mRNA Prep

Illumina Stranded mRNA Prepは、ライゲーションベースの迅速なライブラリー調製で、少量インプットサンプルに対応した高精度のmRNA-Seqアプリケーション用ソリューションです。

- 正確なストランド情報の測定により、タンパク質をコードするトランスクリプトームを正確に、バイアスなく検出
- 優れたpolyAキャプチャー効率とカバレッジの均一性で必要なシーケンス量を最小限に
- わずか25 ngの高品質RNAサンプルから、広いダイナミックレンジの正確な遺伝子発現プロファイリングを提供

[詳細はこちら →](#)

Illumina miRNA Prep

Illumina miRNA Prepは、あらゆる生物種のトータルRNAまたは分離したmiRNAから直接高品質なmicroRNA (miRNA) ライブラリーや低分子RNAシーケンスライブラリーを生成するための効率的で経済的なソリューションです。

- トータルRNAインプット量が少ない場合でも、反応バイアスを最小限に抑え、アダプターダイマーを除去することで、信頼性の高いmiRNA特異的ライブラリーを生成
- UMIを採用し、成熟miRNAをバイアスなく高精度に定量
- 実験ニーズに応じて、大規模シーケンスにも対応できる最大384のユニークデュアルインデックスを用いたマルチプレックスが可能

[詳細はこちら →](#)

ILLUMINA Stranded Total RNA Prep with Ribo-Zero™ Plusまたは Ribo-Zero Plus Microbiome

ILLUMINA Stranded Total RNA Prepは、ライゲーションをベースとする効率化された迅速ライブラリー調製により、インプット量の少ないサンプルや幅広いRNA-Seqアプリケーションに対応します。ILLUMINA Ribo-Zero Plus rRNA Depletion Kitを用いることで、ヒト、マウス、ラット、細菌など複数の生物種からのリボソームRNA (rRNA) を効率的に除去でき、価値の高い配列*の研究に集中できます。

- 全トランスクリプトームシーケンスに対応し、コーディング転写産物とノンコーディング転写産物を検出
- 幅広いRNAインプット (1~1,000 ng) に対応、低品質またはFFPEサンプルでも優れたパフォーマンスを実現
- Ribo-Zero Plusが含まれ、ヒト、マウス、ラット、グラム陽性/陰性細菌、グロビンmRNAなどの複数の生物種からの豊富なRNAを1ステップで効率的に除去
- Ribo-Zero Plus Microbiomeの選択肢もあり、メタトランスクリプトミクス研究のために複雑な微生物叢サンプル(便など) から不要な宿主および汎細菌のrRNAを除去

*他の生物や追加の不要な転写産物に対して、カスタムの除去プローブを設計し使用することも可能です。詳細については、ILLUMINA担当者にお問い合わせください。

[詳細はこちら →](#)



ILLUMINA RNAライブラリー調製ソリューションの概要

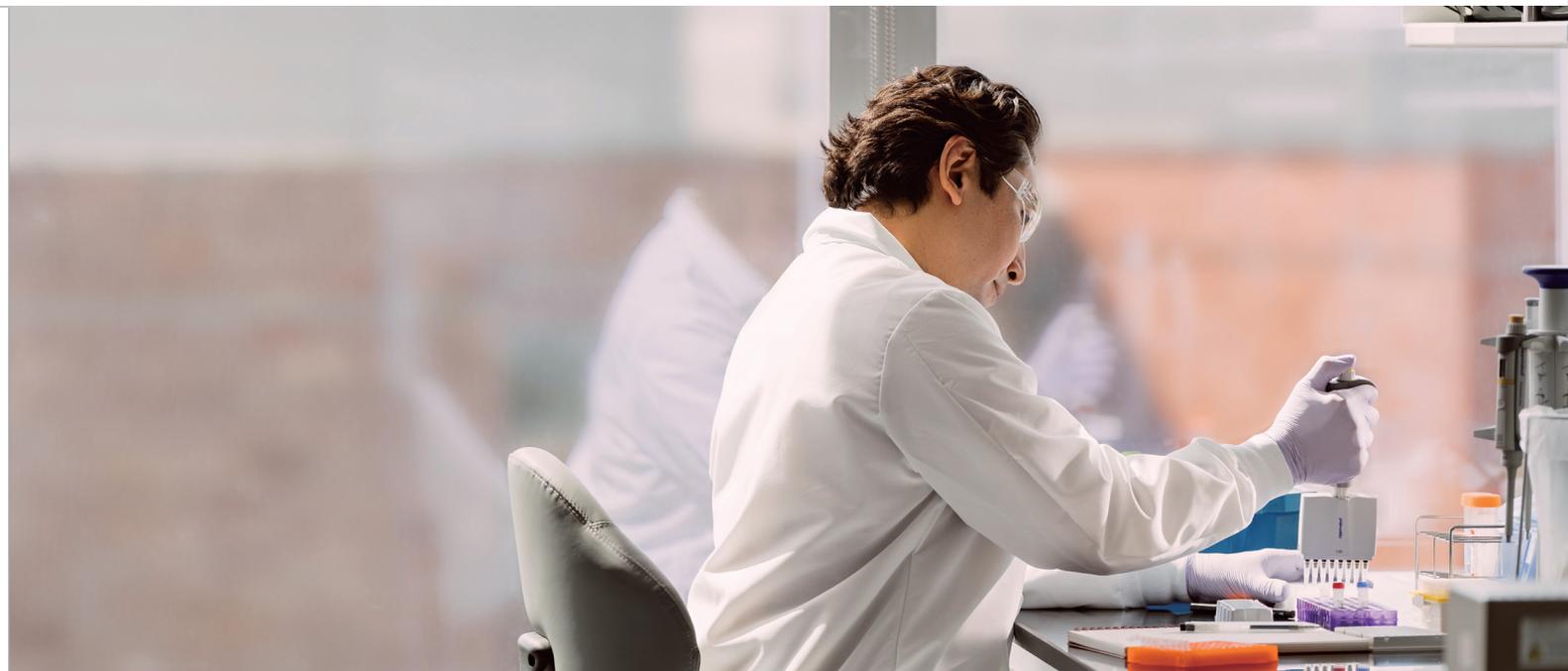
仕様	ILLUMINA Stranded Total RNA Prep with Ribo-Zero PlusまたはRibo-Zero Plus Microbiome	ILLUMINA Stranded mRNA Prep	ILLUMINA RNA Prep with Enrichment	ILLUMINA miRNA Prep
アプリケーション	全トランスクリプトームシーケンス	mRNA-Seq、遺伝子発現プロファイリング	RNAエクソーム濃縮、mRNA-Seq、少量インプットまたはFFPEサンプル用の遺伝子発現プロファイリング、ウイルス検出	miRNA-SeqおよびSmall RNA シーケンス
手法	ライゲーションベースのアダプターとインデックスの付加、酵素によるrRNA除去	PolyAキャプチャー、ライゲーションベースのアダプターとインデックスの付加	ビーズ結合トランスポソーム、ハイブリッドキャプチャーケミストリー	ライゲーションベースのアダプターとインデックスの付加
検出	コーディングトランスクリプトームとノンコーディングトランスクリプトーム	polyAテールを含むコーディングトランスクリプトーム	ターゲットを絞ったコーディング領域	miRNA
ストランド特異性	ストランド情報あり	ストランド情報あり	ストランド情報なし	ストランド情報あり
特殊なサンプルタイプ	血液、FFPE組織、少量インプットサンプル	高品質mRNA、少量インプットサンプル	血液、FFPE組織、少量インプットサンプル、唾液、鼻咽頭スワブ	血液、FFPE組織、少量インプットサンプル
RNAインプット量	1~1,000 ng標準品質RNA 最適なパフォーマンスとFFPEサンプルの場合は最低10 ng	25~1,000 ng標準品質RNA	10 ng標準品質RNA 低品質/FFPEサンプルの場合は20 ng RNA	1~500 ng RNA
ハズオンタイム	3時間未満	3時間未満	2時間未満	3時間
アッセイ時間	~7時間	7時間未満	9時間未満	7時間
ライブラリー定量の必要性	あり	あり	あり	あり
断片化を含む	あり	あり	不要	不要
FFPEサンプル対応	あり	なし	あり	あり
自動化対応	あり	あり	あり	あり
対応パネル	ILLUMINA DNA/RNA Unique Dual Indexes, Tagmentation	ILLUMINA DNA/RNA Unique Dual Indexes, Tagmentation	ILLUMINA UMI DNA/RNA Unique Dual v3 Indexes, Ligation	ILLUMINA UMI DNA/RNA Unique Dual v3 Indexes, Ligation
推奨されるインデックス	ILLUMINA RNA Unique Dual Indexes, Ligation	ILLUMINA RNA Unique Dual Indexes, Ligation	ILLUMINA DNA/RNA Unique Dual Indexes, Tagmentation	ILLUMINA UMI DNA/RNA Unique Dual v3 Indexes, Ligation
推奨されるシーケンスシステム	NextSeq 550システム、NextSeq 1000システム、NextSeq 2000システム、NovaSeq 6000システム、NovaSeq Xシリーズ	NextSeq 550システム、NextSeq 1000システム、NextSeq 2000システム、NovaSeq 6000システム、NovaSeq Xシリーズ	iSeq 100システム、MiSeqシリーズ、NextSeq 550システム、NextSeq 1000システム、NextSeq 2000システム、NovaSeq 6000システム、NovaSeq Xシリーズ	MiSeqシリーズ、NextSeq 550システム、NextSeq 1000システム、NextSeq 2000システム、NovaSeq 6000システム、NovaSeq Xシリーズ
推奨される解析ソフトウェア	DRAGEN RNAパイプライン、DRAGEN Differential Expression	DRAGEN RNAパイプライン、DRAGEN Differential Expression、BaseSpace Correlation Engine	DRAGEN RNAパイプライン、DRAGEN Differential Expression、DRAGEN RNA Pathogen Detection	DRAGEN miRNA
消耗品および機器	ILLUMINA Stranded RNA Prep with Ribo-Zero PlusまたはRibo-Zero Plus Microbiomeの消耗品および機器	ILLUMINA Stranded mRNA Prepの消耗品および機器	ILLUMINA RNA Prep with Enrichmentの消耗品および機器	ILLUMINA miRNA Prep with Enrichmentの消耗品および機器

まとめ

イルミナのNGSライブラリー調製ポートフォリオは、DNAとRNA両方のシーケンスに対して高品質、精度、そして使いやすさを提供します。使いやすいプロトコールで、ロースルーブットのシーケンス研究から大規模ラボ向けの完全に自動化されたライブラリー調製まで、幅広い実験ニーズに対応します。

また、細胞株から新鮮組織、FFPEサンプル、血液、その他の困難なサンプルタイプまで、幅広いサンプルタイプに対応します。

サンプルから最大限の洞察を引き出し、信頼できる結果を生成し、ハンズオンタイムを削減します。必要に応じてイルミナのサポートを受けることが可能です。



[DNAライブラリー調製 →](#)

[RNAライブラリー調製 →](#)

[Illumina 5-baseソリューション →](#)

[DRAGEN二次解析 →](#)

[Illumina Connected Insights →](#)

[ライブラリー調製の自動化 →](#)



Tel (03)4578-2800 Fax (03)4578-2810
jp.illumina.com

© 2026 Illumina, Inc. All rights reserved.
すべての商標および登録商標は、Illumina, Inc. または各所有者に帰属します。
商標および登録商標の詳細は jp.illumina.com/company/legal.html をご覧ください。
予告なしに仕様および希望販売価格を変更する場合があります。

M-GL-00033 v3.0-JPN

Pub. No. M-GL-00033 v3.0-JPN 25MAR2026