

Illumina Connected Multiomics

强大、直观、可扩展的多组学分析

蛋白质组学 | 转录组学 | 表观遗传学 | 基因组学 | 细胞群 | 单细胞 | 空间



Illumina Connected Multiomics是一种基于云端的多组学分析解决方案，帮助研究人员大规模探索和分析生物学数据。平台将行业标准级的强大统计分析方法集成于交互式图形用户界面中，使分析人员无需具备先进的生物信息学专业知识就能分析复杂数据。这款平台兼具易用性与实用性，可直接生成符合发表标准的可视化图表，且性能不打折扣。

发掘更深入的生物学见解

直观、简化的分析

轻松扩展您的研究

互联的工作流程

作为因美纳互联生态系统的重要组成部分，Connected Multiomics充分利用DRAGEN™二级分析技术的高速精准优势，以及全球最大的多组学知识库之一——Correlation Engine，实现整合通路分析。针对因美纳核心多组学检测项目的预置及可定制化工作流，提供了端到端的完整解决方案，大幅简化了多组学分析流程。了解支持的检测项目。



交互式可视化

信息丰富、可直接用于发表的可视化结果



强大的统计算法

识别关键特征的强大统计方法



数据整合和一体化工作流程

旨在提供从检测到见解的无缝多组学工作流程



安全优先的基础设施

秉承行业标准的安全性、隐私性和合规性标准，帮助您维护值得信赖的数据环境

文库制备



为单细胞、蛋白质组学、空间分析等研究制备文库

测序



使用任意因美纳测序平台对文库进行测序

分析



二级分析

使用DRAGEN进行准确、高效的分析

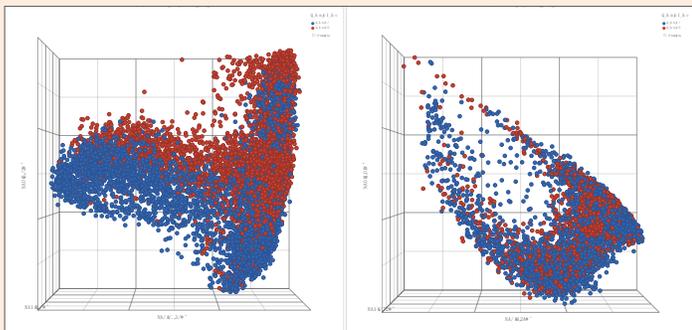
解读



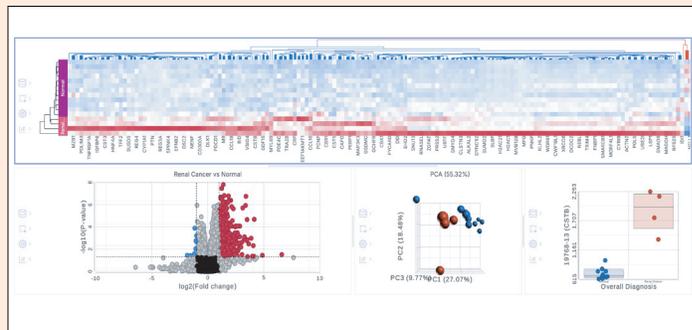
三级分析

通过Illumina Connected Multiomics，利用交互式可视化功能、强大的统计能力与工具探索和分析多组学数据集

通过美观的交互式可视化结果生动展示您的研究成果



PCA显示了批次效应校正前后结果以及校正如何帮助降低批次效应。



同步可视化功能可突出不同图表的特征。

