

使用Illumina Connected Multiomics 简化甲基化分析

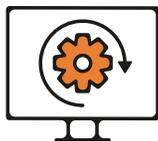
强大、直观、可扩展的多组学分析



Illumina Connected Multiomics平台赋能研究人员直观分析大规模复杂基因调控数据，无需生物信息学专业背景。将甲基化数据与其他组学和模式无缝整合，获得更深入的生物学见解。



发掘更深入的生物学见解



使用直观的软件简化分析



轻松扩展您的研究

互联的工作流程

借助高性能DRAGEN™ 5-Base DNA流程产出的分析结果并经优化后，Connected Multiomics可助力开展生物学探索工作。可视化界面可直观获取样本级甲基化特征，实现数据降维与样本聚类，检测并注释具有显著甲基化变化的生物标记，同时关联其功能生物学过程。

高级功能包括：

- ✓ 5-碱基甲基化QC报告
- ✓ 差异甲基化区域（DMR）检测和注释
- ✓ PCA和聚类分析
- ✓ 基因集和路径富集分析



通过交互式可视化逼真呈现您的甲基化数据

