

# 加速您的单细胞研究

## 使用Illumina Connected Multiomics

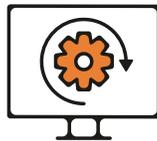
强大、直观、可扩展的多组学分析



Illumina Connected Multiomics使技术方向不同的研究人员（包括无先进生物信息学专业知识的储备的研究人员）能够直观地大规模分析大型复杂的单细胞数据，并可与其他组学数据和模式结合分析。



发掘更深入的生物学见解



使用直观的软件简化分析



轻松扩展您的研究

## 互联的工作流程

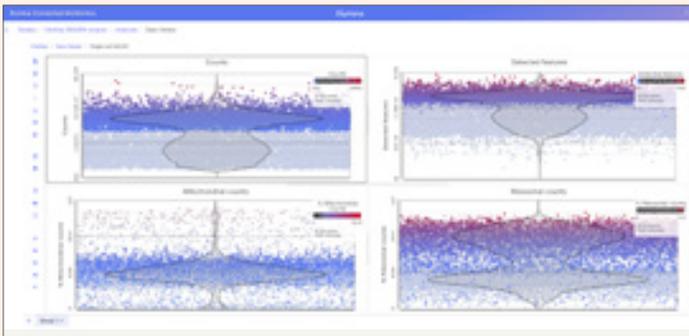
简化的分析工作流程已针对Illumina Single Cell 3' RNA Prep kit进行了优化，并利用DRAGEN™单细胞RNA分析流程，助力您准确定位和比对多达一百万个样本、执行细胞分类、构建数据可视化以及解读生物学发现。为实现灵活性最大化，Illumina Connected Multiomics还支持部分第三方检测技术与工具。

### 高级功能包括：

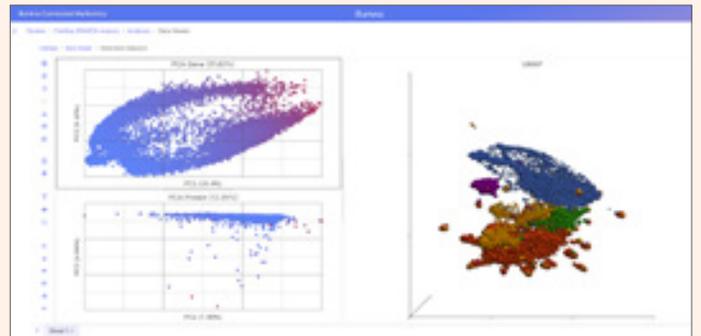
- ✓ 降维分析
- ✓ 差异表达分析
- ✓ 细胞聚类和分类
- ✓ 生存分析
- ✓ 轨迹分析
- ✓ 生物学解读



## 通过美观的交互式可视化结果生动展示您的单细胞研究



交互进行细胞水平QC，并根据UMI计数、检测到的基因、线粒体和核糖体计数过滤细胞。



通过2D和3D图同时探索单细胞数据集内的多种模式，并可选择分离或整合细胞以进行更全面的分析。

